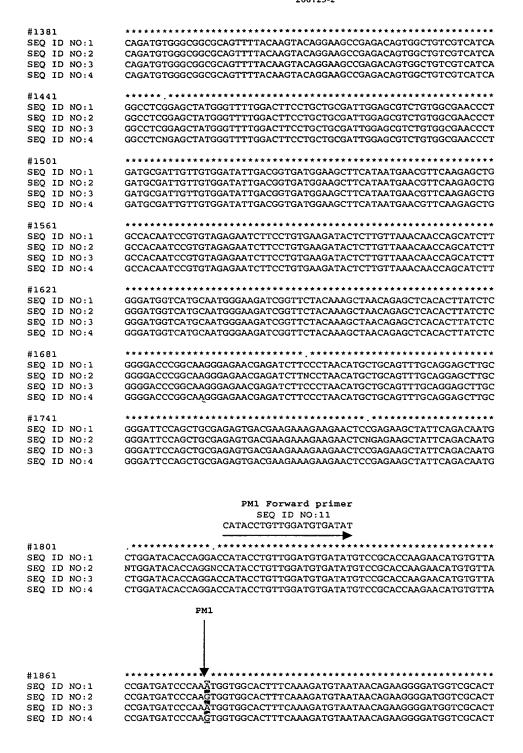
SEQ ID NO:1	GCTAAACCTTCTNNCAAATCCCCTCTACNNATTNNCAGATTCTNNCTTNCNTTCTNCTTA
SEQ ID NO:3	TTCTTCCAAATCCCCTCTACCCATTTCCAGATTCTCCCTTCCCTTC
#61 SEQ ID NO:1	ACCCCACAGAAAGACTCCTCCCGTCTCCACCGTCCTCTCGCCATCTCCGNCGTTCTCAAC
SEQ ID NO:2	GTCTCCACCGTCCTCTCGCCATCTNCGCCGTTCTCAAC
SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	ACCCCACAGAAAGACTCCTCCNGTCTCCACNGTCCTCTCGCCATNTCCGCNGTTCTCAAC TNGCCATNTCCGCCGTTCTCAAC
#121	***** **,******************************
SEQ ID NO:1	TCACCCGTCAATGTCGCACCTCCTTCCCCTGAAAAAACCGACAAGAACAAGACTTTCGTC
SEQ ID NO:2	TCACCCGTCAATGTCGCACCTCCTTNCCCTGAAAAAACCGACAAGAACAAGACTTTCGTN
SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TCACCNGTCAATGTCGCACCTCCTTCCCCTGAAAAAACCGACAAGAACAAGACTTTCGTC TCACCNGTNAATGTCGCACCTCCTTCCCCTGAAAAAACCGACAAGAACAAGACTTTNGTC
#181	*****,********,************************
SEQ ID NO:1	TCCCGCTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTCGTCGAAGCCCTCGAG
SEQ ID NO:2	TCCCGCTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTCGTCGAAGCCCTCGAG
SEQ ID NO:3	TCCCGCTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTCGTCGAAGCCCTCGAG
SEQ ID NO:4	TCCCGNTACGCTCCNGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTCGTCGAAGCCCTCGAG
#241	************
SEQ ID NO:1	CGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTTGCTTATCCCGGAGGTGCTTCCATGGAGATCCACCAA
SEQ ID NO:2	CGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTTGCTTATCCCGGAGGTGCTTCCATGGAGATCCACCAA
SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	CGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTTGCTTATCCCGGAGGTGCTTCCATGGAGATCCACCAA CGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTTGCTTATCCCGGAGGTGCTTCCATGGAGATCCACCAA
5EQ 15 NO.4	
#301	*************
SEQ ID NO:1	GCCTTGACTCGCTCCACCATCCGTAACGTCCTTCCCCGTCACGAACAAGGAGGAGTC
SEQ ID NO:2	GCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTTCCCCGTCACGAACAAGGAGGAGTC
SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	GCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTTCCCCGTCACGAACAAGGAGGAGTC GCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTTCCCCGTCACGAACAAGGAGGAGTC
SEQ ID NO:4	' '
#261	************
#361	
SEQ ID NO:1	$\tt TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG$
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2	$\tt TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG$
SEQ ID NO:1	
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3	TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3	TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #661 SEQ ID NO:1	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:4 #661 SEQ ID NO:4	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************
SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #421 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:4 #481 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:1 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:4 #541 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #601 SEQ ID NO:3 SEQ ID NO:4 #661 SEQ ID NO:1	TTCGCCGCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG TTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCCACTTCG *********************************

#721	******************
SEQ ID NO:1	CAACCTATGCGCTTACCTGGCTACATGTNTAGGTTGCCTCAGCCTCCGGAAGTTTCTCAG
SEQ ID NO:2	CAACCTATGCGCTTACCTGGCTACATGTCTAGGTTGCCTCAGCCTCCGGAAGTTTCTCAG
SEQ ID NO:3	CAACCTATGCGCTTACCTGGCTACATGTCTAGGTTGCCTCAGCCTCCGGAAGTTTCTCAG
SEQ ID NO:4	CAACCTATGCGCTTACCTGGCTACATGTNTAGGTTGCCTCAGCCTCCGGAAGTTTCTCAG
#781	******
SEQ ID NO:1	TTAGGTCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGT
SEQ ID NO:2	TTAGGTCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGT
SEQ ID NO:3	TTAGGTCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGT
SEQ ID NO:4	${\tt TTAGGTCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGT}$
#841	*********
SEQ ID NO:1	GGAAGCTTGAACTCGAGTGAAGAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCCGTT
SEQ ID NO:2	GGAAGCTTGAACTCGAGTGAAGAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCCGTT
SEQ ID NO:3	GGAAGCTTGAACTCGAGTGAAGAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCCGTT
SEQ ID NO:4	${\tt GGAAGCTTGAACTCGAGTGAAGAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCCGTT}$
#001	************
#901 SEQ ID NO:1	GCGAGTACTTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATG
SEQ ID NO:2	GCGAGTACTTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATG
SEQ ID NO:3	GCGAGTACTTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATG
SEQ ID NO:4	GCGAGTACTTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATG
#961	**************************************
SEQ ID NO:1	CTTGGCATGCACGGGACTGTGTATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTG
SEQ ID NO:2 SEQ ID NO:3	CTTGGCATGCACGGGACTGTGTATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTG CTTGGCATGCACGGGACTGTGTATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTG
SEQ ID NO:4	CTTGGCATGCACGGGACTGTGTATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTG
36Q 15 NO.4	CITGGCATGCACGGGACTGTGTATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTG
#1021	*****************
SEQ ID NO:1	GCGTTTGGTGTTAGGTTTGATGACCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCTTTCGCTAGCAGG
SEQ ID NO:2	GCGTTTGGTGTTAGGTTTGATGACCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCTTTCGCTAGCAGG
SEQ ID NO:3	GCGTTTGGTGTTAGGTTTGATGNCCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCTTTCGCTAGCAGG
SEQ ID NO:4	GCGTTTGGTGTTAGGTTTGATGACCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCTTTCGCTAGCAGG
#1081	************
SEQ ID NO:1	GCTAAAATTGTGCACATAGACATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCAC
SEQ ID NO:2	GCTAAAATTGTGCACATAGACATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCAC
SEQ ID NO:3	GCTAAAATTGTGCACATAGACATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCAC
SEQ ID NO:4	GCTAAAATTGTGCACATAGACATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCAC
#1141	*************
SEQ ID NO:1	GTGTCTGTGTGTGATGTAAAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAAC
SEQ ID NO:2	GTGTCTGTGTGTGATGTAAAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAAC
SEQ ID NO:3	GTGTCTGTGTGTGTGATGTAAAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAAC
SEQ ID NO:4	$\tt GTGTCTGTGTGTGATGTAAAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAAC$
#1201	***************
SEQ ID NO:1	CGGGCGGAGGAGCTCAAGCTTGATTTCGGTGTTTTGGAGGAGTGAGT
SEQ ID NO:2	CGGGCGGAGGAGCTCAAGCTTGATTTCGGTGTTTTGGAGGAGTGAGT
SEQ ID NO:3	CGGGCGGAGGAGCTCAAGCTTGATTTCGGTGTTTTGGAGGAGTGAGT
SEQ ID NO:4	CGGGCGGAGGAGCTCAAGCTTGATTTCGGTGTTTTGGAGGAGTGAGT
#1261	***************
SEQ ID NO:1	CAGAAGTTCCCTTTGAGCTTCAAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATT
SEQ ID NO:2	${\tt CAGAAGTTCCCTTTGAGCTTCAAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATT}$
SEQ ID NO:3	${\tt CAGAAGTTCCCTTTGAGCTTCAAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATT}$
SEQ ID NO:4	CAGAAGTTCCCTTTGAGCTTCAAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATT
#1321	*****************
SEQ ID NO:1	CAGATCCTCGACGAGCTAACCGAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCAT
SEQ ID NO:2	CAGATCCTCGACGAGCTAACCGAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCAT
SEQ ID NO:3	${\tt CAGATCCTCGACGAGGCTAACCGAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCAT}$
SEQ ID NO:4	CAGATCCTCGACGAGCTAACCGAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCAT



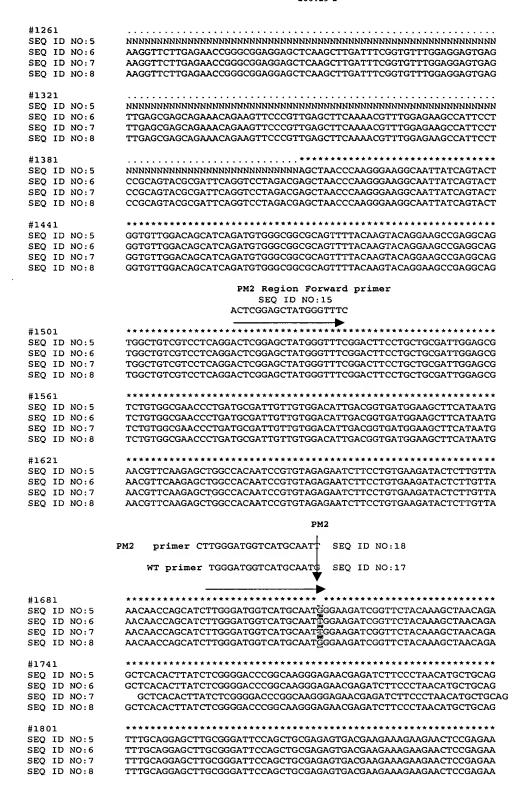
#1921	****************
SEQ ID NO:1	AAGTACTGAGAGATGAAGCTGGTGATCGATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTCC
SEQ ID NO:2	AAGTACTGAGAGATGAAGCTGGTGATCGATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTCC
SEQ ID NO:3	AAGTACTGAGAGATGAAGCTGGTGATCGATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTCC
SEQ ID NO:4	AAGTACTGAGAGATGAAGCTGGTGATCGATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTCC
#1981	*****************
SEQ ID NO:1	AGTTTCTTTTGTGTGGTAATTTGGGTTTGTCAGTTGTTGTACTACTTTTGGTTGTTCCCA
SEQ ID NO:2	AGTTTCTTTTGTGTGGTAATTTGGGTTTGTCAGTTGTTGTACTACTTTTGGTTGTTCCCA
SEQ ID NO:3	AGTTTCTTTTGTGTGGTAATTTGGGTTTGTCAGTTGTTGTACTACTTTTGGTTGTTCCCA
SEQ ID NO:4	AGTTTCTTTTGTGTGGTAATTTGGGTTTGTCAGTTGTTGTACTACTTTTGGTTGTTCCCA

PM1 Reverse primer SEQ ID NO:12 TGCATGAGCGACAACAACAAA

#2041	**********
SEQ ID NO:1	GACGTACTCGCTGTTGTTTGTTTCCTTTTTCTTTTATATAA
SEQ ID NO:2	GACGTACTCGNTGTTGTTTGTTTCCTTTTTCTTTATATAT
SEQ ID NO:3	GACGTACTCGCTGTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
SEQ ID NO:4	GACGTACTCGCTGTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATATAA

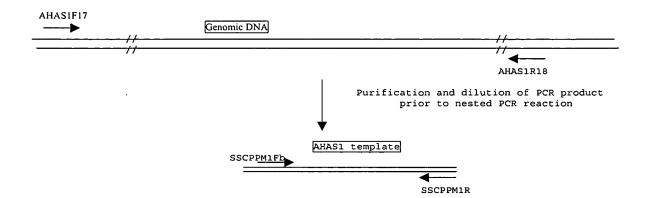
#1 SEQ ID NO:6	TCATTCATCATCTCTCTCATTTCTCTCTCTCTCTCATCTAACCATGGCGGCGGCAACA
5EQ 15 NO.0	Tearrest earlier enterer enter
#61	
SEQ ID NO:6	TCGTCTTCTCCGATCTCCTTAACCGCTAAACCTTCTTCCAAATCCCCTCTACCCATTTCC
#121 SEQ ID NO:5	TTCTCCTTAACCCCACAGAAACCCTCCTCCNGTCTCCACCGTCCA
SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7	AGATTCTCCCTTCCCTTCACCTCAACCCCACAGAAACCCTCCTCCCGTCTCCACCGTCCA GTCTCCACNGTCCA
#181	****************
SEQ ID NO:5	CTCGCCATCTCCGCCGTTCTCAACTCACCCGTCAATGTCGCACCTGAAAAAACCGACAAG
SEQ ID NO:6	CTCGCCATCTCCGCCGTTCTCAACTCACCCGTCAATGTCGCACCTGAAAAAACCGACAAG
SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	CTCGÇCATNTCCGCCGTTCTCAACTCACCCGTCAATGTCGCACCTGAAAAAACCCGACAAG GTCAATGTCGCACCTGAAAAAACCCGACAAG
#241	************
SEQ ID NO:5	ATCAAGACTTTCATCTCCCGCTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTC
SEQ ID NO:6	ATCAAGACTTTCATCTCCCGCTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTC
SEQ ID NO:7	ATCAAGACTTTCATCTCCCGNTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTC
SEQ ID NO:8	ATCAAGACTTTCATCTCCCGNTACGCTCCCGACGAGCCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTC
#301	****************
SEQ ID NO:5	GTGGAAGCCCTCGAGCGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTCGCTTATCCCGGAGGTGCCTCC
SEQ ID NO:6	GTGGAAGCCCTCGAGCGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTCGCTTATCCCGGAGGTGCCTCC
SEQ ID NO:7	GTGGAAGCCCTCGAGCGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTCGCTTATCCCGGAGGTGCCTCC
SEQ ID NO:8	GTGGAAGCCCTCGAGCGTCAAGGCGTCGAAACCGTCTTCGCTTATCCCGGAGGTGCTTCC
#361	************
SEQ ID NO:5	ATGGAGATCCACCAAGCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTCCCCCGTCAC
SEQ ID NO:6	ATGGAGATCCACCAAGCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTCCCCCGTCAC
SEQ ID NO:7	ATGGAGATCCACCAAGCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTCCCCCGTCAC
SEQ ID NO:8	ATGGAGATCCACCAAGCCTTGACTCGCTCCTCCACCATCCGTAACGTCCTCCCCCGTCAC
#421	************
SEQ ID NO:5	GAACAAGGAGGAGTCTTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATC
SEQ ID NO:6	GAACAAGGAGGAGTCTTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATC
SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	GAACAAGGAGGAGTCTTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATC GAACAAGGAGGAGTCTTCGCCGCCGAGGGTTACGCTCGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATC
#481	****************
SEQ ID NO:5	TGCATAGCCACTTCGGGTCCCGGAGCTACCAACCTCGTCAGCGGGTTAGCCGACGCGATG TGCATAGCCACTTCGGGTCCCGGAGCTACCAACCTCGTCAGCGGGTTAGCCGACGCGATG
SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7	TGCATAGCCACTTCGGGTCCCGGAGCTACCAACCTCGTCAGCGGGTTAGCCGACGCGATG
SEQ ID NO:8	TGCATAGCCACTTCGGGTCCCGGAGCTACCAACCTCGTCAGCGGGTTAGCCGACGCGATG
#541	**************
SEQ ID NO:5	$\tt CTTGACAGTGTTCCTCTCGTCGCCATCACAGGACAGGTCCCTCGCCGGATGATCGGTACT$
SEQ ID NO:6	CTTGACAGTGTTCCTCTCGCCCATCACAGGACAGGTCCCTCGCCGGATGATCGGTACT
SEQ ID NO:7	CTTGACAGTGTTCCTCTCGCCATCACAGGACAGGTCCCTCGCCGGATGATCGGTACT
SEQ ID NO:8	CTTGACAGTGTTCCTCTCGTCGCCATCACAGGACAGGTCCCTCGCCGGATGATCGGTACT

#601 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	GACGCGTTCCAAGAGACGCCAATCGTTGAGGTAACGAGGTCTATTACGAAACATAACTAT GACGCGTTCCAAGAGACGCCAATCGTTGAGGTAACGAGGTCTATTACGAAACATAACTAT GACGCGTTCCAAGAGACGCCAATCGTTGAGGTAACGAGGTCTATTACGAAACATAACTAT GACGCGTTCCAAGAGACGCCAATCGTTGAGGTAACGAGGTCTATTACGAAACATAACTAT GACGCGTTCCAAGAGACGCCAATCGTTGAGGTAACGAGGTCTATTACGAAACATAACTAT
#661 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	CTGGTGATGGATGTTGATGACATACCTAGGATCGTTCAAGAAGCÄTTCTTTCTAGCTACT CTGGTGATGGATGTTGATGACATACCTAGGATCGTTCAAGAAGCÄTTCTTTCTAGCTACT CTGGTGATGGATGTTGATGACATACCTAGGATCGTTCAAGAAGCÄTTCTTTCTAGCTACT CTGGTGATGGATGTTGATGACATACCTAGGATCGTTCAAGAAGCÄTTCTTTCTAGCTACT CTGGTGATGGATGTTGATGACATACCTAGGATCGTTCAAGAAGCTTTCTTT
#721 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	TCCGGTAGACCCGGACCGGTTTTGGTTGATGTTCCTAAGGATATTCAGCAGCAGCTTGCG TCCGGTAGACCCGGACCGGTTTTGGTTGATGTTCCTAAGGATATTCAGCAGCAGCTTGCG TCCGGTAGACCCGGACCGGTTTTGGTTGATGTTCCTAAGGATATTCAGCAGCAGCTTGCG TCCGGTAGACCCGGACCGGTTTTGGTTGATGTTCCTAAGGATATTCAGCAGCAGCTTGCG
#781 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	**************************************
#841 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	CCGNAAGTTTCTCAGTTAGGCCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTT CCGGAAGTTTCTCAGTTAGGCCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTT CCGNAAGTTTCTCAGTTAGGCCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTT CCGNAAGTTTCTCAGTTAGGCCAGATCGTTAGGTTGATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTT
#901 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	**************************************
#961 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	ACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAG ACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAG ACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAG ACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTTTGGCTCTTATCCTTGTAACGATGAG ACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTTTGCTTATCCTTGTAACGATGA
#1021 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	**************************************
#1081 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	AGTGATTTGTTGCTGGCGTTTGGTGTTAGGTTTNATGACCGTGTNNNNNNNNNN
#1141 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
#1201 SEQ ID NO:5 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:7 SEQ ID NO:8	NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN



PM2 Region Reverse primer SEQ ID NO:16 ACCTGGCATGGACAACCTA





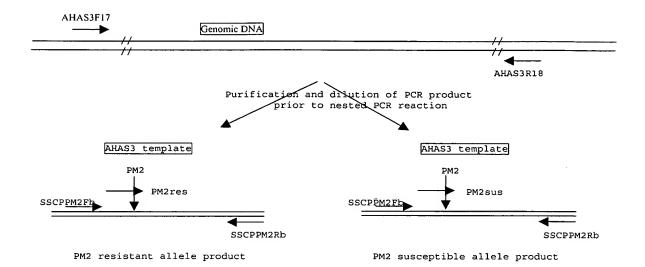


Figure 4

SEQ ID NO:19 #-181		
SEQ ID NO:20	AAZ	AGAAAAGACCAAACAAACAAAAATCATSEQ_ID_NO:9
AHAS1 forward amp	lification primer	CACAAGTCTCGTGTTATAAAA C
SEQ ID NO:19 #-121 SEQ ID NO:20	ATTCCAAGGGTATTTTCGTAAACAAACAAAACCC	::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
AHAS3 forward amp	lification primer	CACAAGCCTCGTGTTATAAAAA
		SEQ ID NO:13
SEQ ID NO:19	TTCACGTTCACAAACTCATTCATCATCTCTCTCT	CTAACC CTAACC
#-61 SEQ ID NO:20	TTCACGTTCACAAACTCATTCATCATCTCTCTCT	
SEQ ID NO:19	ATGGCGGCGCAACATCGTCTTCTCCGATCTCCT	PTAACCGCTAAACCTTCTTCCAAATCC
#1 SEQ ID NO:20	ATGGCGGCGGCAACATCGTCTTCTCCGATCTCCT	
SEQ ID NO:19	CCTCTACCCATTTCCAGATTCTCCCTTCC	CCTTAACCCCACAGAAAGACTCCTCC
#61 SEQ ID NO:20	CCTCTACCCATTTCCAGATTCTCCCTTCCCTTCT	
SEQ ID NO:19	CGTCTCCACCGTCCTCTCGCCATCTCCGCCGTTC	
#121 SEQ ID NO:20	CGTCTCCACCGTCCACTCGCCATCTCCGCCGTTC	
SEQ ID NO:19	CCTTCCCCTGAAAAAACCGACAAGAACAAGACTT	TTCGTCTCCCGCTACGCTCCCGACGAG
#181 SEQ ID NO:20	CCTGAAAAAACCGACAAGATCAAGACTT	
SEQ ID NO:19 #241 SEQ ID NO:20	CCCCGCAAGGGTGCTGATATCCTCGTCGAAGCC	
SEQ ID NO:19	TTTGCTTATCCCGGAGGTGCTTCCATGGAGATC	
#301		
SEQ ID NO:20	TTCGCTTATCCCGGAGGTGCCTCCATGGAGATC	
SEQ ID NO:19 #361	ATCCGTAACGTCCTTCCCCGTCACGAACAAGGA	
SEQ ID NO:20	ATCCGTAACGTCCTCCCCCGTCACGAACAAGGA	AGGAGTCTTCGCCGCCGAGGGTTACGCT
SEQ ID NO:19	CGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCC	
#421 SEQ ID NO:20	CGTTCCTCCGGCAAACCGGGAATCTGCATAGCC	
SEQ ID NO:19	GTCAGCGGGTTAGCAGACGCGATGCTTGACAGT	GTTCCTCTTGTCGCCATTACAGGACAG
#481 SEQ ID NO:20	GTCAGCGGGTTAGCCGACGCGATGCTTGACAGT	
SEQ ID NO:19	GTCCCTCGCCGGATGATCGGTACTGACGCCTTC	CCAAGAGACACCAATCGTTGAGGTAACG
#541 SEQ ID NO:20	GTCCCTCGCCGGATGATCGGTACTGACGCGTTC	
SEQ ID NO:19	AGGTCTATTACGAAACATAACTATTTGGTGATG	GATGTTGATGACATACCTAGGATCGTT
#601 SEQ ID NO:20	AGGTCTATTACGAAACATAACTATCTGGTGATG	
SEQ ID NO:19	CAAGAAGCTTTCTTTCTAGCTACTTCCGGTAGA	
#661 SEQ ID NO:20	CAAGAAGCATTCTTTCTAGCTACTTCCGGTAGA	

SEQ ID NO:19 #721 SEQ ID NO:20	AAGGATATTCAGCAGCAGCTTGCGATTCCTAACTGGGATCAACCTATGCGCTTACCTGGC
SEQ ID NO:19 #781	TACATGTCTAGGTTGCCTCAGCCTCCGGAAGTTTCTCAGTTAGGTCAGATCGTTAGGTTG
SEQ ID NO:20 SEQ ID NO:19	TACATGTCTAGGCTGCCTCAGCCACCGGAAGTTTCTCAGTTAGGCCAGATCGTTAGGTTG ATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGTGGAAGCTTGAACTCGAGTGAA
#841 SEQ ID NO:20	ATCTCGGAGTCTAAGAGGCCTGTTTTGTACGTTGGTGGTGGAAGCTTGAACTCGAGTGAA
SEQ ID NO:19 #901	GAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCCGTTGCGAGTACTTTGATGGGGCTT
SEQ ID NO:20	GAACTGGGGAGATTTGTCGAGCTTACTGGGATCCCTGTTGCGAGTACGTTGATGGGGCTT
SEQ ID NO:19 #961	GGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATGCTTGGCATGCACGGGACTGTG
SEQ ID NO:20	GGCTCTTATCCTTGTAACGATGAGTTGTCCCTGCAGATGCTTGGCATGCACGGGACTGTG
SEQ ID NO:19 #1021	TATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTGGCGTTTGGTGTTAGGTTTGAT
SEQ ID NO:20	TATGCTAACTACGCTGTGGAGCATAGTGATTTGTTGCTGGCGTTTGGTGTTAGGTTTGAT
SEQ ID NO:19 #1081	GACCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCTTTCGCTAGCAGGGCTAAAATTGTGCACATAGAC
SEQ ID NO:20	GACCGTGTCACGGGAAAGCTCGAGGCGTTTGCGAGCAGGGCTAAGATTGTGCACATAGAC
SEQ ID NO:19 #1141	ATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCACGTGTCTGTGTGTG
SEQ ID NO:20	ATTGATTCTGCTGAGATTGGGAAGAATAAGACACCTCACGTGTCTGTGTGTG
SEQ ID NO:19 #1201	AAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAACCGGGCGGAGGAGCTCAAGCTT
SEQ ID NO:20	AAGCTGGCTTTGCAAGGGATGAACAAGGTTCTTGAGAACCGGGCGGAGGAGCTCAAGCTT
SEQ ID NO:19 #1261	GATTTCGGTGTTTTGGAGGAGTGAGTTGAGCTGAGCAGAAACAGAAGTTCCCTTTGAGCTTC
SEQ ID NO:20	GATTTCGGTGTTTGGAGGAGTGAGTTGAGCGAGCAGAAACAGAAGTTCCCGTTGAGCTTC
SEQ ID NO:19 #1321	AAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATTCAGATCCTCGACGAGCTAACC
SEQ ID NO:20	AAAACGTTTGGAGAAGCCATTCCTCCGCAGTACGCGATTCAGGTCCTAGACGAGCTAACC
SEQ ID NO:19 #1381	GAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCATCAGATGTGGGCGGCGCAGTTT
SEQ ID NO:20	CAAGGGAAGGCAATTATCAGTACTGGTGTTGGACAGCATCAGATGTGGGCGCGCAGTTT
SEQ ID NO:19 #1441	TACAAGTACAGGAAGCCGAGACAGTGGCTGTCGTCATCAGGCCTCGGAGCTATGGGTTTT
SEQ ID NO:20	TACAAGTACAGGAAGCCGAGGCAGTGGCTGTCGTCCTCAGGACTCGGAGCTATGGGTTTC
SEQ ID NO:19 #1501	GGACTTCCTGCTGCGATTGGAGCGTCTGTGGCGAACCCTGATGCGATTGTTGTGGATATT
SEQ ID NO:20	GGACTTCCTGCTGCGATTGGAGCGTCTGTGGCGAACCCTGATGCGATTGTTGTGGACATT
SEQ ID NO:19 #1561	GACGGTGATGGAAGCTTCATAATGAACGTTCAAGAGCTGGCCACAATCCGTGTAGAGAAT
SEQ ID NO:20	GACGGTGATGGAAGCTTCATAATGAACGTTCAAGAGCTGGCCACAATCCGTGTAGAGAAT
SEQ ID NO:19 #1621	CTTCCTGTGAAGATACTCTTGTTAAACAACCAGCATCTTGGGATGGTCATGCAATGGGAA
SEQ ID NO:20	CTTCCTGTGAAGATACTCTTGTTAAACAACCAGCATCTTGGGATGGTCATGCAATGGGAA
SEQ ID NO:19 #1681	GATCGGTTCTACAAAGCTAACAGAGCTCACACTTATCTCGGGGACCCGGCAAGGGAGAAC
SEQ ID NO:20	GATCGGTTCTACAAAGCTAACAGAGCTCACACTTATCTCGGGGACCCGGCAAGGGAGAAC

SEQ ID NO:19	GAGATCTTCCCTAACATGCTGCAGTTTGCAGGAGCTTGCGGGATTCCAGCTGCGAGAGTG
#1741	0.0. mcmmcccm.) c. mccmcc. c. mmmcc. (c.) c. mmcc.) c. mmcc.) c. mmcc.) c. mcc.
SEQ ID NO:20	GAGATCTTCCCTAACATGCTGCAGTTTGCAGGAGCTTGCGGGATTCCAGCTGCGAGAGTG
SEQ ID NO:19	ACGAAGAAAGAACTCCGAGAAGCTATTCAGACAATGCTGGATACACCAGGACCATAC
#1801	
SEQ ID NO:20	ACGAAGAAAGAACTCCGAGAAGCTATTCAGACAATGCTGGATACACCTTGGACCGTAC
SEQ ID NO:19	CTGTTGGATGTGATATGTCCGCACCAAGAACATGTGTTACCGATGATCCCAAGTGGTGGC
#1861	
SEQ ID NO:20	CTGTTGGATGTCATCTGTCCGCACCAAGAACATGTGTTACCGATGATCCCAAGTGGTGGC
SEQ ID NO:19	ACTTTCAAAGATGTAATAACAGAAGGGGATGGTCGCACTAAGTACTGA GAGATGAAGCT
#1921	
SEQ ID NO:20	ACTTTCAAAGATGTAATAACCGAAGGGGATGGTCGCACTAAGTACTGA GAGATGAAGCT
SEQ ID NO:19	GGTGATCGATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTCCAGTTTCTTTTTGTGTGGTAAT
#1980	
SEQ ID NO:20	GGTGATCCATCATATGGTAAAAGACTTAGTTTCAGTTTTCAGTTTCTTTTTGTGTGGTAAT
SEQ ID NO:19	TTGGGTTTGTCAGTTGTTACTACTTTTGGTT GTTCCCAGACGTACTCGCTGTTGTTG
#2040	
SEQ ID NO:20	TTGGGTTTGTCAGTTGTTGTACTGCTTTTGGTTTGTTCCCAGACTTACTCGCTGTTGTTG
	amplification AAGTAT ACAAA
Primer SEO ID NO:19	
#2100	TTTTGTTTCCTTTTTCTTTTATATATAAATAAACTGCTTGGGTTTTTTTT
SEO ID NO:20	TTTTGTTTCCTTTTCTTTTATATATAAATAAACTGCTTGGGTTTTTTTACATAATGTTT
	amplification :::::::::
Primer	ATGTATTACAAA
	
AHAS1 rev	CCGTGAGTTAC SEO ID NO:10